

Table S1. Number of alleles, gene diversity, heterozygosity (%), polymorphic information content (PIC), allele range, rare allele, common allele and most frequent alleles of the 84 SSR markers in foxtail millet core collection

S. No	Marker	Number of Alleles	Gene diversity	Heterozygosity	PIC	Allele size Range (bp)	Number of Rare alleles	Number of Common alleles	Most frequent alleles
1	p38	8	0.75	0.05	0.71	170-192	2	4	2
2	p58	10	0.41	0.03	0.40	168-222	5	4	1
3	p61	13	0.84	0.05	0.82	218-244	1	10	2
4	b123	12	0.60	0.03	0.58	123-157	2	9	1
5	p33	8	0.24	0.00	0.23	177-215	3	4	1
6	b202	8	0.68	0.03	0.65	197-243	1	6	1
7	b111	16	0.85	0.04	0.83	186-220	5	10	1
8	b223	19	0.90	0.07	0.89	136-174	3	16	0
9	p10	16	0.79	0.05	0.76	198-256	6	8	2
10	b234	18	0.90	0.06	0.89	289-341	3	15	0
11	p3	26	0.92	0.08	0.91	186-270	7	19	0
12	b196	4	0.06	0.00	0.06	177-187	1	2	1
13	b110	7	0.55	0.01	0.46	253-287	2	3	2
14	p87	17	0.80	0.02	0.78	205-249	5	10	2
15	p42	9	0.75	0.03	0.71	187-205	2	6	1
16	b226	5	0.49	0.04	0.42	273-283	1	2	2
17	p92	5	0.32	0.00	0.30	174-186	0	4	1
18	b151	6	0.28	0.00	0.27	133-179	2	3	1
19	b227	21	0.88	0.07	0.88	150-204	7	13	1
20	p91	6	0.11	0.01	0.11	188-206	4	1	1
21	p2	13	0.86	0.22	0.85	147-211	2	10	1
22	b109	30	0.94	0.05	0.94	139-283	6	24	0
23	b159	14	0.74	0.02	0.72	184-216	5	8	1
24	p17x	7	0.54	0.01	0.50	228-278	2	3	2
25	b225	19	0.83	0.03	0.81	122-166	5	13	1
26	b242	27	0.94	0.08	0.94	145-205	8	19	0
27	b142	20	0.75	0.07	0.74	195-255	5	14	1
28	p41	23	0.93	0.03	0.93	201-255	3	20	0
29	p16	9	0.55	0.16	0.53	213-233	2	6	1
30	p34	9	0.76	0.01	0.72	153-177	1	6	2
31	b269	14	0.82	0.03	0.81	148-198	1	12	1
32	b185	24	0.92	0.07	0.91	133-199	6	18	0
33	b200	21	0.76	0.03	0.75	352-406	6	14	1
34	p75	21	0.91	0.07	0.90	208-265	2	18	1
35	b186	22	0.84	0.05	0.83	159-221	8	13	1
36	p4	31	0.92	0.07	0.91	180-280	8	22	1
37	b190	16	0.82	0.05	0.80	285-319	5	9	2
38	p9	25	0.85	0.04	0.84	186-266	7	17	1
39	p56	4	0.18	0.00	0.17	194-220	1	2	1
40	b217	23	0.91	0.07	0.90	288-346	6	17	0
41	b255	17	0.81	0.04	0.79	121-165	4	12	1
42	p20	16	0.88	0.04	0.87	203-239	1	14	1

Table S1. Continues..

S. No	Marker	Number of Alleles	Gene diversity	Heterozygosity	PIC	Allele size Range (bp)	Number of Rare alleles	Number of Common alleles	Most frequent alleles
43	p100	13	0.64	0.03	0.61	247-315	5	7	1
44	b129	14	0.60	0.06	0.58	128-168	6	7	1
45	b188	17	0.85	0.03	0.83	192-260	4	11	2
46	b105	26	0.93	0.06	0.93	174-244	3	23	0
47	p21	5	0.58	0.00	0.51	220-276	1	2	2
48	b187	27	0.94	0.04	0.93	188-244	5	22	0
49	b258	11	0.39	0.00	0.38	205-275	5	5	1
50	b251	17	0.89	0.08	0.88	269-311	4	13	0
51	p50	27	0.93	0.02	0.92	197-255	8	19	0
52	b107	22	0.91	0.08	0.90	246-296	7	15	0
53	b153	18	0.81	0.05	0.79	169-237	6	10	2
54	b163	14	0.73	0.01	0.71	183-225	4	9	1
55	b260	29	0.95	0.05	0.95	151-221	5	24	0
56	b166	19	0.92	0.07	0.91	195-247	5	14	0
57	b165	26	0.94	0.05	0.93	252-314	6	20	0
58	b125	19	0.83	0.03	0.81	341-383	6	11	2
59	p59	18	0.85	0.03	0.83	176-210	4	13	1
60	p88	15	0.89	0.03	0.87	190-246	4	11	0
61	b171	35	0.94	0.03	0.94	177-276	11	24	0
62	b236	28	0.94	0.02	0.93	109-183	5	23	0
63	p85	11	0.74	0.01	0.70	179-227	4	5	2
64	p8	17	0.68	0.00	0.65	180-230	8	8	1
65	b126	14	0.82	0.05	0.80	186-226	3	9	2
66	b246	27	0.93	0.05	0.92	131-194	8	19	0
67	b174	28	0.93	0.09	0.93	165-225	8	20	0
68	b115	10	0.66	0.03	0.63	187-223	1	8	1
69	m2	5	0.31	0.00	0.29	165-175	1	3	1
70	b247	27	0.82	0.09	0.81	99-187	11	15	1
71	p98	8	0.51	0.00	0.49	161-178	2	5	1
72	p44	16	0.87	0.07	0.85	158-228	6	9	1
73	ICMM02C05	5	0.11	0.01	0.11	100-202	1	3	1
74	ICMM02C24	21	0.73	0.24	0.69	306-376	12	7	2
75	ICMM02D07	11	0.81	0.56	0.78	226-256	2	8	1
76	ICMM02D15B	11	0.22	0.14	0.21	132-166	7	3	1
77	P13	13	0.83	0.11	0.81	104-174	3	8	2
78	P2	8	0.64	0.26	0.60	110-124	1	5	2
79	P5	10	0.59	0.10	0.57	202-310	0	9	1
80	UGEP102	7	0.65	0.10	0.62	176-204	1	5	1
81	UGEP3	20	0.78	0.28	0.77	100-206	5	14	1
82	UGEP56	20	0.63	0.31	0.61	124-174	9	10	1
83	UGEP8	8	0.22	0.01	0.22	202-302	3	4	1
84	UGEP81	20	0.69	0.05	0.66	102-236	12	6	2

Table S2. Two hundred and fifty pairs of most diverse accessions identified based on dissimilarity between pair of accessions based on 84 SSR markers (We have given only top 250 pairs 11,935 pair-wise estimates)

S. No.	Pair of accessions (ISe No.)		Dissimilarity value	S. No.	Pair of accessions (ISe No.)		Dissimilarity value
1	1227	1320	0.875	64	1299	1547	0.882
2	1335	1666	0.875	65	1209	1354	0.882
3	1335	1704	0.875	66	1312	1474	0.882
4	1575	1789	0.875	67	719	1547	0.883
5	302	1258	0.877	68	746	1320	0.883
6	302	1305	0.877	69	1009	1547	0.883
7	302	1312	0.877	70	96	1575	0.883
8	525	1547	0.877	71	302	1299	0.883
9	717	1547	0.877	72	751	1547	0.883
10	748	1547	0.877	73	771	1547	0.883
11	985	1067	0.877	74	907	1335	0.883
12	1000	1320	0.877	75	963	1320	0.883
13	375	1320	0.877	76	999	1575	0.883
14	751	1204	0.877	77	1320	1685	0.883
15	828	1305	0.877	78	771	1335	0.884
16	983	1258	0.877	79	1299	1575	0.884
17	1335	1419	0.877	80	1312	1597	0.884
18	717	1209	0.877	81	751	1209	0.884
19	719	1209	0.877	82	49	1312	0.885
20	846	1209	0.877	83	96	1312	0.885
21	717	1575	0.878	84	846	1305	0.885
22	828	1161	0.878	85	985	1335	0.885
23	869	1234	0.878	86	999	1258	0.885
24	1181	1332	0.878	87	1162	1258	0.885
25	1258	1805	0.878	88	1181	1704	0.885
26	1312	1354	0.878	89	1320	1674	0.885
27	1312	1805	0.878	90	1320	1745	0.885
28	1320	1332	0.878	91	1320	1900	0.885
29	1335	1547	0.878	92	963	1335	0.885
30	132	1209	0.878	93	1254	1704	0.885
31	254	1320	0.878	94	1258	1299	0.885
32	771	1575	0.878	95	1320	1767	0.885
33	1312	1767	0.878	96	1335	1789	0.885
34	1320	1666	0.878	97	132	1320	0.886
35	1320	1762	0.879	98	458	1312	0.886
36	1000	1547	0.880	99	783	1638	0.886
37	96	1638	0.880	100	946	1312	0.886
38	403	1335	0.880	101	995	1258	0.886
39	458	1258	0.880	102	995	1312	0.886
40	719	1312	0.880	103	1177	1312	0.886
41	795	1181	0.880	104	1312	1725	0.886
42	914	1234	0.880	105	1320	1419	0.886
43	936	1320	0.880	106	900	1335	0.887
44	1312	1419	0.880	107	931	1234	0.887
45	1312	1780	0.880	108	983	1575	0.887
46	1547	1685	0.880	109	1299	1320	0.887
47	90	1181	0.880	110	1312	1593	0.887
48	156	1320	0.880	111	963	1209	0.887
49	388	1209	0.880	112	507	1312	0.887
50	403	1209	0.880	113	507	1320	0.887
51	931	1067	0.880	114	792	1305	0.887
52	1299	1593	0.880	115	796	1320	0.887
53	710	1312	0.881	116	956	1320	0.887
54	480	1320	0.881	117	985	1312	0.887
55	745	1320	0.881	118	985	1320	0.887
56	840	1547	0.881	119	1134	1320	0.887
57	914	1547	0.881	120	1312	1858	0.887
58	1161	1704	0.881	121	1387	1547	0.887
59	1320	1629	0.881	122	758	1335	0.888
60	1320	1858	0.881	123	1305	1789	0.888
61	1547	1704	0.881	124	1312	1789	0.888
62	663	1320	0.882	125	1335	1900	0.888
63	846	1335	0.882	126	302	1320	0.889

Table S2. continues..

S. No.	Pair of accessions (ISe No.)		Dissimilarity value	S. No.	Pair of accessions (ISe No.)		Dissimilarity value
127	869	1209	0.889	189	914	1320	0.904
128	1209	1851	0.889	190	983	1547	0.904
129	1234	1547	0.889	191	1312	1745	0.904
130	1299	1789	0.889	192	254	1312	0.904
131	846	1575	0.890	193	931	1575	0.904
132	900	1312	0.890	194	1162	1209	0.904
133	900	1209	0.890	195	1209	1704	0.904
134	936	1209	0.890	196	783	1320	0.905
135	946	1209	0.890	197	907	1305	0.905
136	1286	1320	0.890	198	1320	1655	0.905
137	49	1320	0.891	199	1312	1666	0.905
138	96	1181	0.891	200	999	1129	0.906
139	827	1320	0.891	201	751	1320	0.907
140	963	1547	0.891	202	931	1320	0.907
141	985	1209	0.892	203	914	1335	0.908
142	96	1320	0.892	204	90	1320	0.909
143	936	1305	0.892	205	869	1312	0.909
144	999	1234	0.892	206	840	1320	0.910
145	1187	1704	0.892	207	907	1575	0.910
146	1258	1773	0.892	208	999	1312	0.910
147	771	1312	0.893	209	999	1320	0.910
148	1161	1666	0.893	210	1162	1312	0.910
149	1254	1547	0.893	211	1209	1725	0.911
150	132	1312	0.894	212	458	1320	0.911
151	795	1320	0.894	213	719	1320	0.911
152	842	1312	0.894	214	748	1320	0.911
153	956	1312	0.894	215	907	1312	0.911
154	969	1547	0.894	216	1009	1320	0.911
155	1320	1610	0.894	217	1026	1320	0.912
156	1332	1547	0.894	218	769	1312	0.913
157	785	1335	0.895	219	1129	1320	0.913
158	1320	1806	0.895	220	1312	1547	0.913
159	1335	1805	0.895	221	931	1209	0.913
160	388	1312	0.895	222	90	1312	0.913
161	1209	1685	0.896	223	403	1312	0.914
162	1209	1805	0.896	224	783	1335	0.914
163	828	1312	0.896	225	931	1547	0.914
164	1269	1312	0.896	226	1320	1789	0.914
165	1320	1597	0.897	227	983	1320	0.916
166	840	1312	0.897	228	783	1312	0.917
167	846	1312	0.897	229	914	1209	0.917
168	717	1320	0.899	230	1151	1320	0.917
169	1136	1320	0.899	231	792	1320	0.919
170	1187	1312	0.899	232	769	1320	0.920
171	1320	1687	0.899	233	914	1129	0.920
172	710	1320	0.900	234	1234	1666	0.920
173	785	1547	0.900	235	869	1320	0.922
174	827	1547	0.900	236	1269	1320	0.922
175	869	1335	0.900	237	1320	1704	0.923
176	931	1312	0.900	238	1320	1808	0.924
177	1129	1312	0.900	239	785	1320	0.924
178	907	1547	0.901	240	995	1320	0.924
179	1161	1547	0.901	241	1137	1320	0.925
180	1547	1773	0.901	242	946	1320	0.930
181	1299	1581	0.901	243	195	1320	0.931
182	1059	1547	0.902	244	999	1547	0.931
183	1312	1575	0.903	245	1547	1808	0.932
184	840	1209	0.903	246	907	1320	0.937
185	999	1209	0.903	247	179	1320	0.938
186	1320	1474	0.903	248	1320	1773	0.943
187	769	1335	0.904	249	388	1320	0.944
188	914	1312	0.904	250	1162	1320	0.956