**Text summary - Supplementary Figure 2**

Alignment of a 691 bp long internal fragment of the CO1 gene that includes eighteen *Melolontha* spp. GenBank sequences, 25 new sequences (MN699102–MN699104; MN699106–MN699127) and *Aleochara puetzi* JQ990979.1 as outgroup.

**Supplementary Figure 2**

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

5 15 25 35 45 55 65

Ap\_JQ990979.1 TCCAGGATTT GGTATAATTT CACATATTAT TAGACAAGAA AGTGGAAAAA AGGAAACCTT TGGGACTTTA

Mh\_MN699102 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699103 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699104 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699106 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699107 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699108 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699109 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699110 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699111 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699112 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699113 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_MN699114 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_KX087316 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_HM120756 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mh\_HM120757 CCCAGGATTT GGAATAATTT CCCACATCAT TAGACAAGAA AGTAACAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699115 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCACATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699116 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCACATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699127 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCACATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699121 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699122 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699123 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699124 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699119 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699120 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699125 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699126 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699117 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_MN699118 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_AY734989 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_EF487767 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_GU201597 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_DQ295259 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_DQ295260 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_DQ295261 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_DQ295262 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_DQ295263 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_DQ295265 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_DQ295267 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_HM120753 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_HM120754 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mm\_HM120755 CCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT CAGACAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mp\_HM120751 GCCAGGATTT GGTATAATTT CCCATATTAT TAGGCAAGAA AGTAATAAAA AGGAAACATT TGGCACTTTA

Mp\_HM120752 CCCAGGATTC GGAATAATTT CTCACATTGT TAGGCAAGAA AGCAATAAAA AGGAAACATT TGGTACTTTA

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

75 85 95 105 115 125 135

Ap\_JQ990979.1 GGTATAATTT ATGCTATAAT AGCAATTGGT CTTTTAGGAT TTGTTGTATG AGCACACCAT ATATTTAC-T

Mh\_MN699102 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699103 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699104 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699106 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699107 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699108 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699109 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699110 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699111 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCACCT

Mh\_MN699112 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699113 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_MN699114 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_KX087316 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTTAC-T

Mh\_HM120756 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mh\_HM120757 GGAATAATTT ATGCCATAAT AGCCATTGGT TTATTAGGCT TTATTGTATG GGCCCACCAT ATATTCAC-T

Mm\_MN699115 GGAATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699116 GGAATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699127 GGAATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699121 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699122 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699123 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699124 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699119 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699120 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699125 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699126 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699117 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_MN699118 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_AY734989 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_EF487767 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_GU201597 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_DQ295259 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_DQ295260 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_DQ295261 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_DQ295262 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_DQ295263 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_DQ295265 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_DQ295267 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_HM120753 GGAATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_HM120754 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mm\_HM120755 GGGATAATCT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAC ATATTCAC-T

Mp\_HM120751 GGAATAATTT ACGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCACATCAT ATATTCAC-T

Mp\_HM120752 GGAATAATTT ATGCTATAAT AGCCATTGGA CTATTAGGAT TTATTGTATG AGCGCATCAT ATATTCAC-T

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

145 155 165 175 185 195 205

Ap\_JQ990979.1 GTAGGAATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACTTCAG CAACTATAAT TATTGCTGTT CCTACAGGAA

Mh\_MN699102 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699103 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699104 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699106 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699107 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699108 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699109 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699110 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699111 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699112 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699113 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_MN699114 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_KX087316 GTAGGTATAG ATGTCGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_HM120756 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mh\_HM120757 GTAGGTATAG ATGTTGATAC TCGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACCATAAT TATCGCAGTA CCTACTGGTA

Mm\_MN699115 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699116 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699127 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699121 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699122 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699123 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699124 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699119 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699120 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699125 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699126 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699117 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_MN699118 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_AY734989 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_EF487767 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_GU201597 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_DQ295259 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_DQ295260 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_DQ295261 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_DQ295262 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_DQ295263 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_DQ295265 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_DQ295267 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_HM120753 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_HM120754 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mm\_HM120755 GTTGGTATAG ATGTTGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCAG CAACAATAAT TATTGCAGTT CCTACTGGCA

Mp\_HM120751 GTTGGCATAG ATGTCGATAC ACGAGCCTAC TTTACCTCCG CAACAATAAT TATTGCAGTA CCTACTGGTA

Mp\_HM120752 GTAGGTATAG ATGTGGATAC ACGAGCCTAT TTTACCTCAG CAACAATAAT TATCGCAGTT CCTACTGGTA

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

215 225 235 245 255 265 275

Ap\_JQ990979.1 TTAAAATTTT TAGATGACTA GCAACTCTTC ATGGAACACA AATTAATTAT TCTCCATCAA TATTATGAGC

Mh\_MN699102 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699103 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699104 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699106 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699107 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699108 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699109 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699110 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699111 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAAC

Mh\_MN699112 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699113 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_MN699114 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_KX087316 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_HM120756 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ACGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mh\_HM120757 TTAAAATTTT TAGATGATTA GCTACTCTCC ATGGAACTCA ACTAAATTAT TCCCCATCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699115 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCCACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCACCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699116 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCCACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCACCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699127 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCCACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCACCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699121 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699122 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699123 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699124 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699119 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699120 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699125 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699126 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699117 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_MN699118 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_AY734989 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_EF487767 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_GU201597 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_DQ295259 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_DQ295260 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_DQ295261 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_DQ295262 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_DQ295263 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_DQ295265 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_DQ295267 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_HM120753 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_HM120754 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCCC TATTATGAGC

Mm\_HM120755 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ACGGAACCCA ATTAAATTAT TCGCCCTCTC TATTATGAGC

Mp\_HM120751 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACTCTTC ATGGAACCCA ATTAAACTAT TCGCCCTCCC TATTATGATC

Mp\_HM120752 TTAAAATTTT TAGCTGACTA GCTACCCTTC ACGGGACCCA ATTAAACTAT TCACCCTCCC TATTATGAGC

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

285 295 305 315 325 335 345

Ap\_JQ990979.1 TTTAGGATTT GTATTTTTAT TTACTGTAGG TGGTTTAACA GGAGTAATTC TTGCTAATTC ATCAATTGAT

Mh\_MN699102 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699103 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699104 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699106 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699107 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699108 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699109 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699110 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699111 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699112 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699113 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_MN699114 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_KX087316 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_HM120756 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mh\_HM120757 CCTCGGCTTT GTATTTTTAT TCACAGTAGG AGGACTAACA GGAGTTATTC TCGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699115 CCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699116 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699127 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699121 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699122 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699123 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699124 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699119 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699120 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699125 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699126 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699117 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_MN699118 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_AY734989 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_EF487767 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_GU201597 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTACG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_DQ295259 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_DQ295260 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_DQ295261 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_DQ295262 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_DQ295263 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_DQ295265 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_DQ295267 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_HM120753 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_HM120754 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mm\_HM120755 TCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mp\_HM120751 CCTAGGATTT GTATTTTTAT TTACAGTAGG GGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC TTCAATTGAC

Mp\_HM120752 CCTAGGATTT GTATTCTTAT TTACAGTAGG AGGATTAACT GGAGTAATCC TAGCAAATTC CTCAATTGAT

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

355 365 375 385 395 405 415

Ap\_JQ990979.1 ATTATCTTAC ATGATACTTA TTATGTAGTA GCTCATTTTC ATTATGTATT ATCAATAGGA GCTGTATTTG

Mh\_MN699102 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699103 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699104 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699106 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699107 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699108 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699109 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699110 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699111 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699112 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699113 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_MN699114 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_KX087316 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_HM120756 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mh\_HM120757 ATTATTCTTC ATGATACTTA TTATGTCGTA GCTCATTTTC ATTATGTACT TTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699115 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGC GCAGTATTTG

Mm\_MN699116 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGC GCAGTATTTG

Mm\_MN699127 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGC GCAGTATTTG

Mm\_MN699121 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699122 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699123 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699124 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699119 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699120 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699125 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699126 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699117 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_MN699118 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_AY734989 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_EF487767 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_GU201597 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_DQ295259 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_DQ295260 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_DQ295261 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_DQ295262 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTATGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_DQ295263 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_DQ295265 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_DQ295267 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_HM120753 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_HM120754 ATTATTCTTC ATGATACCTA TTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mm\_HM120755 ATTATTCTTC ATGATACCTA CTACGTAGTA GCCCACTTCC ACTACGTACT CTCAATGGGT GCAGTATTTG

Mp\_HM120751 ATTATTCTTC ATGATACTTA CTACGTGGTA GCCCACTTCC ACTATGTACT CTCAATAGGA GCAGTATTTG

Mp\_HM120752 ATTATCCTTC ATGACACCTA CTATGTAGTA GCCCACTTTC ACTACGTGCT CTCTATAGGA GCAGTATTTG

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

425 435 445 455 465 475 485

Ap\_JQ990979.1 CAATTATAGC TGGATTTATT CAATGATTCC CTTTATTTAC AGGTTTAACT TTAAATAATA AACTTCTAAA

Mh\_MN699102 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699103 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699104 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699106 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699107 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699108 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699109 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699110 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699111 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699112 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699113 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_MN699114 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_KX087316 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_HM120756 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mh\_HM120757 CAATTATAGC GGGATTTGTC CATTGATTCC CTTTATTCAC AGGACTAGTA TTAAACAGAA AATTATTAAA

Mm\_MN699115 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CGCTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTATTAAA

Mm\_MN699116 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CGCTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699127 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CGCTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699121 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699122 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699123 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699124 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699119 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699120 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699125 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699126 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699117 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_MN699118 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_AY734989 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_EF487767 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_GU201597 CTATAATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_DQ295259 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_DQ295260 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_DQ295261 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_DQ295262 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_DQ295263 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_DQ295265 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_DQ295267 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_HM120753 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_HM120754 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mm\_HM120755 CTATTATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CACTATTCAC AGGACTAACA CTAAACAGAA AATTACTAAA

Mp\_HM120751 CTATCATAGC AGGATTTGTC CACTGATTCC CCCTATTCAC AGGGCTAACA CTAAATAGAA AATTACTAAA

Mp\_HM120752 CTATCATAGC TGGATTTGTC CACTGATTCC CGCTATTTAC AGGACTAACA TTGAATAGAA AATTACTAAA

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

495 505 515 525 535 545 555

Ap\_JQ990979.1 AATCCAATTT TTAACTATAT TTATTGGAGT AAATATTACT TTTTTTCCTC AACATTTTCT TGGATTAGCA

Mh\_MN699102 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699103 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699104 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699106 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699107 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699108 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699109 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCTC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699110 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699111 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699112 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGA

Mh\_MN699113 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_MN699114 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_KX087316 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_HM120756 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mh\_HM120757 AATCCAATTT TTTGCAATAT TTATTGGCGT AAATATAACC TTCTTTCCCC AACACTTTTT AGGATTAAGG

Mm\_MN699115 AATTCAGTTT TTTACTATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699116 AATTCAGTTT TTTACTATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699127 AATTCAGTTT TTTACTATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699121 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699122 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699123 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699124 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699119 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699120 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699125 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699126 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699117 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_MN699118 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_AY734989 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_EF487767 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_GU201597 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_DQ295259 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_DQ295260 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_DQ295261 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_DQ295262 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_DQ295263 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_DQ295265 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_DQ295267 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_HM120753 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_HM120754 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mm\_HM120755 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATCGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mp\_HM120751 AATTCAGTTT TTTACTATAT TTATTGGTGT AAATATAACT TTCTTTCCCC AACATTTTTT AGGATTAAGA

Mp\_HM120752 AATTCAGTTT TTTACCATAT TTATTGGTGT CAATATAACC TTCTTCCCCC AACATTTTTT AGGACTAAGG

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....|

565 575 585 595 605 615 625

Ap\_JQ990979.1 GGAATACCTC GACGATATTC TGACTACCCA GATGCTTATA CAACTTGAAA TATTATTTCA TCAATTGGAA

Mh\_MN699102 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699103 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699104 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699106 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699107 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699108 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699109 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699110 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699111 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699112 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699113 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_MN699114 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_KX087316 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_HM120756 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mh\_HM120757 GGTATACCAC GCCGATACTC AGATTACCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTTGTTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699115 GGTATGCCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699116 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699127 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699121 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699122 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699123 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699124 GGGATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699119 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699120 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699125 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699126 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA TAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699117 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_MN699118 GGGATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_AY734989 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_EF487767 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_GU201597 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAT TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_DQ295259 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_DQ295260 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_DQ295261 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_DQ295262 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_DQ295263 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_DQ295265 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_DQ295267 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_HM120753 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_HM120754 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mm\_HM120755 GGTATACCCC GACGATACTC TGACTATCCT GATGCCTATA CAACTTGAAA TATAATTTCA TCTATCGGAT

Mp\_HM120751 GGAATACCCC GACGATACTC TGACTACCCC GATGCCTATA CAACTTGAAA TGTAATCTCA TCTATTGGAT

Mp\_HM120752 GGAATACCCC GGCGATACTC CGATTACCCT GATGCTTATT CAACTTGAAA TATAATCTCA TCTATTGGAT

....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| ....|....| .

635 645 655 665 675 685

Ap\_JQ990979.1 GAATAATTTC CTTAATTAGA ATTACTTTTT TCCTTTTTAT TATTTGAGAA AGATTTTCAA G

Mh\_MN699102 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699103 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699104 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699106 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699107 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699108 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699109 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699110 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699111 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699112 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699113 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_MN699114 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_KX087316 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_HM120756 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mh\_HM120757 CACTAATTTC CCTAATCAGT ATTATTTTAT TCTTATTTAT TATTTGAGAC AGATTTATTT C

Mm\_MN699115 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGGATTATTT C

Mm\_MN699116 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGGATTATTT C

Mm\_MN699127 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGGATTATTT C

Mm\_MN699121 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699122 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699123 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699124 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699119 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699120 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699125 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699126 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699117 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_MN699118 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_AY734989 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_EF487767 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_GU201597 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_DQ295259 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_DQ295260 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_DQ295261 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_DQ295262 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_DQ295263 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_DQ295265 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_DQ295267 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_HM120753 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_HM120754 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mm\_HM120755 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mp\_HM120751 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATTATTTTAT TTTTATTTAT TATTTGAGAT AGAATTATTT C

Mp\_HM120752 CACTAATTTC CCTAATTAGT ATCATTTTAT TTCTATTTAT TATTTGAGAT AGTATTATCT C