

Supplementary Information

Supplementary Table 1: Summary of genetic variation per microsatellite locus in *Terestrius nigrescens* geographic populations originally from Mexico, Honduras Costa Rica.

	Mexico				Ex Mexico				Ex Costa Rica				Honduras	
	Batan	Tlaltizapan	Oaxaca	KARI	Kiboko	Store	Benin	Ghana	Malawi	Teupasen	ti	Gualaso	Yoro	
TnM36														
N	37	50	35	31	17	8	60	36	34	85	5	8		
n _A	6	6	2	2	4	1	4	4	5	3	2	3		
n _R	2.877	2.891	1.868	2.311	1.807	2.524	1.000	2.688	3.243	2.686	2.000	2.617		
H _E	0.583	0.589	0.284	0.225	0.415	0.000	0.521	0.511	0.496	0.539	0.320	0.461		
H _O	0.514	0.560	0.171	0.194	0.294	0.000	0.617	0.528	0.529	0.541	0.400	0.500		
F _{IS}	0.133	0.059	0.409	0.155	0.319	-----	-0.176	-0.019	-0.053	0.001	-0.143	-0.018		
P value	0.208	0.292	0.038	0.475	0.108	NA	0.970	0.631	0.786	0.642	1.000	0.592		
TnM51														
N	38	50	35	29	17	8	60	36	36	85	5	8		
n _A	3	4	3	2	1	1	3	1	2	2	1	2		
n _R	1.263	1.752	1.642	1.548	1.427	1.000	1.000	1.000	1.139	1.705	1.000	2.000		
H _E	0.052	0.151	0.135	0.098	0.000	0.000	0.125	0.000	0.027	0.199	0.000	0.469		
H _O	0.053	0.120	0.143	0.035	0.000	0.000	0.133	0.000	0.028	0.153	0.000	0.250		
F _{IS}	-0.007	0.217	-0.043	0.659	-----	-----	-0.055	-----	0.000	0.235	-----	0.517		
P value	1.000	0.084	1.000	0.051	NA	NA	1.000	NA	1.000	0.008	NA	0.217		
TnM54														
N	28	39	26	30	17	8	56	35	35	85	5	8		
n _A	5	7	1	3	2	2	5	2	5	2	1	1		
n _R	3.507	3.737	1.000	1.439	2.269	1.999	1.964	1.267	1.642	1.059	1.000	1.000		

H _E	0.584	0.625	0.000	0.331	0.493	0.305	0.087	0.056	0.135	0.012	0.000	0.000
H _O	0.071	0.180	0.000	0.400	0.294	0.375	0.071	0.057	0.086	0.012	0.000	0.000
F _{IS}	0.882	0.719	-----	-0.192	0.429	-0.167	0.185	-0.015	0.378	0.000	-----	-----
P value	0.000	0.000	NA	1.000	0.094	1.000	0.084	1.000	0.058	1.000	NA	NA
TnM55												
N	38	50	35	31	17	8	56	36	36	75	5	8
n _A	11	9	6	4	2	3	8	2	2	6	2	3
n _R	3.586	4.091	3.748	2.464	2.805	1.847	2.625	1.666	1.260	2.865	2.000	2.500
H _E	0.621	0.649	0.638	0.544	0.251	0.539	0.459	0.176	0.054	0.593	0.500	0.320
H _O	0.500	0.440	0.657	0.419	0.294	0.750	0.179	0.139	0.000	0.333	0.200	0.375
F _{IS}	0.207	0.331	-0.016	0.244	-0.143	-0.333	0.617	0.222	1.000	0.443	0.667	-0.105
P value	0.023	0.000	0.637	0.067	1.000	0.910	0.000	0.024	0.014	0.000	0.240	1.000
TnM70												
N	38	49	35	30	17	8	59	36	36	79	5	8
n _A	8	8	5	6	2	1	4	2	3	3	2	2
n _R	5.173	4.730	3.039	2.293	3.132	1.959	1.000	1.762	2.362	2.866	2.000	1.964
H _E	0.817	0.770	0.479	0.603	0.360	0.000	0.341	0.219	0.527	0.614	0.420	0.305
H _O	0.632	0.714	0.429	0.567	0.353	0.000	0.322	0.139	0.472	0.342	0.600	0.375
F _{IS}	0.239	0.083	0.119	0.077	0.050	-----	0.064	0.377	0.119	0.448	-0.333	-0.167
P value	0.001	0.131	0.200	0.372	0.657	NA	0.128	0.063	0.267	0.000	1.000	1.000
TnM71												
N	37	49	34	30	16	8	58	36	36	85	5	8
n _A	6	6	6	2	2	2	4	3	2	3	2	2
n _R	3.344	3.835	3.861	2.688	2.317	1.797	1.625	1.926	1.762	2.948	2.000	1.999
H _E	0.562	0.667	0.699	0.473	0.219	0.117	0.500	0.224	0.219	0.663	0.320	0.430
H _O	0.432	0.612	0.471	0.500	0.250	0.125	0.466	0.194	0.139	0.459	0.400	0.625
F _{IS}	0.244	0.092	0.340	-0.041	-0.111	0.000	0.078	0.146	0.377	0.313	-0.143	-0.400
P value	0.021	0.180	0.001	0.581	1.000	1.000	0.137	0.033	0.069	0.000	1.000	1.000

TnM72												
N	38	50	35	30	17	8	60	36	36	81	5	8
n _A	8	7	9	7	2	2	8	5	3	7	3	4
n _R	4.788	4.233	5.119	3.561	4.044	1.847	1.625	2.117	2.552	3.000	3.000	3.214
H _E	0.750	0.739	0.797	0.734	0.251	0.117	0.579	0.230	0.474	0.528	0.540	0.484
H _O	0.658	0.740	0.743	0.533	0.294	0.125	0.600	0.139	0.417	0.469	0.600	0.375
F _{IS}	0.136	0.009	0.082	0.289	-0.143	0.000	-0.029	0.407	0.135	0.118	0.000	0.288
P value	0.067	0.490	0.196	0.011	1.000	1.000	0.734	0.002	0.210	0.004	0.620	0.230
TnM79												
N	36	46	31	27	9	8	56	32	34	78	5	8
n _A	6	5	3	3	2	1	3	3	4	4	2	2
n _R	2.757	2.721	2.222	2.157	2.326	1.977	1.000	2.088	2.770	2.926	2.000	1.875
H _E	0.397	0.386	0.380	0.524	0.346	0.000	0.305	0.366	0.582	0.636	0.180	0.219
H _O	0.167	0.130	0.065	0.000	0.000	0.000	0.089	0.031	0.206	0.231	0.200	0.000
F _{IS}	0.589	0.668	0.835	1.000	1.000	-----	0.712	0.917	0.655	0.641	0.000	1.000
P value	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012	NA	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000	0.067
TnM85												
N	38	50	35	28	16	8	59	36	35	84	5	8
n _A	12	12	9	6	4	4	8	4	4	8	2	3
n _R	5.150	5.276	3.579	3.754	3.860	2.758	3.214	2.673	2.928	3.420	2.000	2.617
H _E	0.776	0.820	0.511	0.615	0.373	0.484	0.689	0.489	0.580	0.545	0.480	0.461
H _O	0.790	0.720	0.371	0.679	0.188	0.625	0.746	0.556	0.486	0.452	0.400	0.250
F _{IS}	-0.004	0.132	0.287	-0.085	0.521	-0.228	-0.073	-0.122	0.177	0.176	0.273	0.509
P value	0.600	0.033	0.004	0.789	0.009	1.000	0.863	0.879	0.111	0.001	0.619	0.077
TnN14												
N	35	46	32	30	13	8	60	32	34	81	5	8
n _A	6	8	6	3	4	2	3	1	2	3	1	1
n _R	4.556	4.302	3.748	1.392	2.760	3.259	1.875	1.000	1.147	1.182	1.000	1.000
H _E	0.759	0.695	0.578	0.549	0.642	0.219	0.081	0.000	0.029	0.037	0.000	0.000
H _O	0.743	0.739	0.563	0.533	0.769	0.250	0.083	0.000	0.029	0.012	0.000	0.000
F _{IS}	0.036	-0.053	0.042	0.046	-0.159	-0.077	-0.024	-----	0.000	0.665	-----	-----
P value	0.404	0.850	0.419	0.268	0.877	1.000	1.000	NA	1.000	0.006	NA	NA

TnN21												
N	38	50	35	31	17	8	60	36	36	79	5	8
n _A	6	5	4	2	2	2	3	4	2	5	1	3
n _R	2.111	2.262	1.553	2.040	1.405	1.294	1.625	2.258	1.999	1.664	1.000	2.589
H _E	0.239	0.428	0.110	0.062	0.057	0.117	0.395	0.345	0.500	0.143	0.000	0.398
H _O	0.184	0.400	0.057	0.000	0.059	0.125	0.383	0.278	0.583	0.089	0.000	0.250
F _{IS}	0.242	0.075	0.491	1.000	0.000	0.000	0.039	0.207	-0.154	0.387	-----	0.429
P value	0.080	0.279	0.015	0.049	1.000	1.000	0.259	0.111	0.898	0.000	NA	0.199
TnN28												
N	38	50	35	31	17	8	58	36	36	82	5	8
n _A	5	9	6	6	4	3	4	4	5	3	2	1
n _R	1.949	2.271	2.047	1.941	2.788	2.170	2.589	2.117	1.886	1.875	2.000	1.000
H _E	0.196	0.241	0.233	0.456	0.261	0.398	0.219	0.269	0.182	0.244	0.180	0.000
H _O	0.211	0.240	0.086	0.194	0.294	0.500	0.035	0.194	0.139	0.232	0.200	0.000
F _{IS}	-0.063	0.013	0.64	0.587	-0.096	-0.191	0.845	0.29	0.249	0.058	0.000	-----
P value	1.000	0.599	0.000	0.000	1.000	1.000	0.000	0.078	0.080	0.164	1.000	NA
TnN2												
N	37	49	34	28	10	8	60	34	36	79	5	8
n _A	3	8	4	3	3	3	3	4	2	3	2	1
n _R	2.102	3.172	2.289	2.730	3.114	2.500	2.589	2.705	1.919	1.127	2.000	1.000
H _E	0.414	0.606	0.507	0.653	0.535	0.398	0.516	0.412	0.330	0.025	0.320	0.000
H _O	0.460	0.612	0.471	0.536	0.600	0.500	0.617	0.412	0.417	0.025	0.000	0.000
F _{IS}	-0.097	-0.001	0.087	0.197	-0.069	-0.191	-0.187	0.016	-0.250	-0.003	1.000	-----
P value	0.669	0.548	0.354	0.112	0.695	1.000	0.949	0.576	1.000	0.037	0.112	NA
TnN1												
N	34	49	32	29	13	8	59	33	36	79	5	8
n _A	3	9	4	3	3	3	4	5	2	3	2	1
n _R	2.425	3.366	2.443	2.876	2.940	2.376	2.589	2.960	1.964	1.302	3.000	1.000
H _E	0.443	0.613	0.535	0.647	0.476	0.398	0.527	0.509	0.389	0.062	0.340	0.000
H _O	0.412	0.571	0.344	0.586	0.462	0.500	0.542	0.424	0.472	0.013	0.200	0.000

F _{IS}	0.085	0.078	0.371	0.111	0.071	-0.191	-0.020	0.181	-0.202	0.797	0.500	-----
P value	0.161	0.214	0.014	0.310	0.461	1.000	0.650	0.106	0.962	0.000	0.110	NA
TnM40												
N	37	50	35	31	17	8	60	36	35	80	5	8
n _A	3	9	4	3	3	3	4	5	2	4	2	1
n _R	4.330	4.574	4.293	3.082	3.081	3.868	1.625	2.917	2.805	2.907	2.000	2.875
H _E	0.744	0.746	0.751	0.586	0.609	0.117	0.617	0.639	0.611	0.620	0.320	0.602
H _O	0.378	0.580	0.457	0.452	0.706	0.125	0.467	0.389	0.343	0.625	0.000	0.625
F _{IS}	0.501	0.232	0.404	0.245	-0.129	0.000	0.252	0.403	0.450	-0.002	1.000	0.028
P value	0.000	0.001	0.000	0.069	0.920	1.000	0.004	0.000	0.000	0.325	0.110	0.597
TnM41												
N	38	50	34	31	15	8	60	36	35	83	5	8
n _A	6	6	6	4	2	2	6	4	5	5	2	2
n _R	4.684	4.734	3.470	3.750	2.425	1.999	1.875	2.493	2.218	2.341	2.000	1.999
H _E	0.781	0.796	0.661	0.456	0.480	0.219	0.692	0.514	0.409	0.503	0.500	0.430
H _O	0.684	0.760	0.677	0.548	0.533	0.250	0.700	0.528	0.486	0.542	0.600	0.625
F _{IS}	0.136	0.055	-0.008	-0.186	-0.077	-0.077	-0.003	-0.014	-0.172	-0.072	-0.091	-0.400
	0.069	0.234	0.601	0.894	0.801	1.000	0.555	0.448	0.934	0.863	0.872	1.000
F _{IS} All	0.223	0.165	0.233	0.194	0.103	-0.175	0.099	0.205	0.143	0.246	0.248	0.138
P value	0	0	0	0	0.0521	0.9939	0	0	0.0003	0	0.0383	0.0918

N: number of individuals genotyped per locus

n_A: number of alleles per locus, n_R Allelic richness per locus,

H_E: expected heterozygosity, H_O: Observed heterozygosity,

F_{IS}: Weir and Cockerham's (1984) estimate of Wrights (1951) fixation index