Stormer, H.G., Pike, E.M., Sperling, F.A.H., Proctor, H.C. 2025. Distribution and diversity of terrestrial isopods (Isopoda: Oniscidea) in Canada, including new records and a species checklist. The Canadian Entomologist.

Supplementary material, Fig. S6

	Nagurus_cristatus_046008/3-651	Porcellio_scaber_106AAA/18-677	Nagurus_carinatus_ON212542	Trachelipus_rathki_081AAD/3-677	Porcellio_spinicornis_104AAH/1-679	Porcellio_dilatatus_049ABB-R|revcomp/3-650	Cylisticus_convexus_082AAA|revcomp/3-653	Armadillidium_vulgare_104AAV_consensus/3-681	Armadillidium_nasatum_086AAF_consensus/3-686	Philosia_muscorum_18384/19-702	Trichoniscus_pusillus_185A3_consensus/3-675	Trachelipus_kytherensis_EF027396.1/2-628	Mongoloniscus_sinensis_MW578682.1/2-612	Trachelipus_ratzeburgii_MN810595.1/2-658	Protracheoniscus_politus_MN810670.1/2-658	Porcellium_conspersum_MN810612.1/2-658	Trachelipus_nodulosus_MN810586.1/2-658	Mongoloniscus_vannamei_LC017827.1/3-652	Mongoloniscus_koreanus_LC017825.1/3-652	Porcellium_fiumanum_salisburgense_MT521102.1/2-658	Protracheoniscus_nogaicus_MH400724.1/2-622	Protracheoniscus_pokarzhevskii_MH400723.1/2-622	Protracheoniscus_kryszanovskii_MH400727.1/2-622	Protracheoniscus_major_MH400726.1/2-622	Trachelipus_aegaeus_EF659958.1/3-520	Trachelipus_palustris_KF891462.1/1-512	Hemimysis_margalefi_HE614276.1/2-658	Asellus_aquaticus_MN810583.1/2-658	Anuropus_sp._MZ848590.1/2-658	Microcerberidae_sp._MW911317.1/1-685	Phreatoicus_orarii_OK072746.1/2-658	Sphaeroma_serratum_KR424584.1/1-672	Synidotea_laticauda_KX824113.1/2-686	Melita_nitida_AY926679.1/6-660	Gammarus_lacustris_MG310487.1/2-659
Nagurus_cristatus_046008/3-651		0.099	0.124	0.108	0.122	0.094	0.117	0.127	0.131	0.131	0.127	0.111	0.114	0.11	0.124	0.11	0.105	0.097	0.106	0.12	0.107	0.141	0.113	0.122	0.128	0.129	0.167	0.172	0.241	0.159	0.163	0.138	0.178	0.336	0.148
Porcellio_scaber_106AAA/18-677	0.099		0.099	0.055	0.059	0.051	0.069	0.055	0.073	0.1	0.078	0.069	0.064	0.074	0.098	0.084	0.06	0.061	0.085	0.093	0.058	0.077	0.058	0.077	0.064	0.065	0.14	0.102	0.201	0.132	0.112	0.106	0.151	0.332	0.163
Nagurus_carinatus_ON212542	0.124	0.099		0.066	0.108	0.094	0.08	0.094	0.094	0.123	0.094	0.091	0.074	0.057	0.077	0.086	0.072	0.077	0.068	0.105	0.097	0.13	0.083	0.097	0.082	0.088	0.153	0.144	0.197	0.175	0.124	0.129	0.189	0.321	0.148
Trachelipus_rathki_081AAD/3-677	0.108	0.055	0.066		0.062	0.07	0.046	0.049	0.053	0.08	0.059	0.048	0.049	0.046	0.068	0.068	0.018	0.056	0.069	0.087	0.053	0.097	0.049	0.077	0.018	0.029	0.119	0.1	0.183	0.124	0.1	0.081	0.151	0.315	0.132
Porcellio_spinicornis_104AAH/1-679	0.122	0.059	0.108	0.062		0.083	0.078	0.08	0.088	0.084	0.081	0.072	0.064	0.078	0.105	0.087	0.064	0.065	0.088	0.11	0.072	0.082	0.063	0.092	0.076	0.082	0.128	0.114	0.202	0.133	0.11	0.094	0.159	0.323	0.151
Porcellio_dilatatus_049ABB-R|revcomp/3-650	0.094	0.051	0.094	0.07	0.083		0.083	0.093	0.093	0.111	0.097	0.09	0.054	0.08	0.108	0.104	0.071	0.062	0.081	0.113	0.063	0.097	0.053	0.082	0.07	0.065	0.146	0.132	0.218	0.144	0.108	0.113	0.153	0.347	0.17
Cylisticus_convexus_082AAA|revcomp/3-653	0.117	0.069	0.08	0.046	0.078	0.083		0.055	0.046	0.092	0.078	0.05	0.059	0.047	0.052	0.07	0.052	0.071	0.081	0.085	0.058	0.106	0.068	0.087	0.064	0.071	0.146	0.103	0.203	0.106	0.127	0.089	0.161	0.309	0.146
Armadillidium_vulgare_104AAV_consensus/3-681	0.127	0.055	0.094	0.049	0.08	0.093	0.055		0.018	0.102	0.09	0.062	0.079	0.073	0.078	0.078	0.064	0.079	0.102	0.096	0.068	0.116	0.078	0.087	0.058	0.065	0.132	0.105	0.197	0.124	0.123	0.099	0.177	0.318	0.155
Armadillidium_nasatum_086AAF_consensus/3-686	0.131	0.073	0.094	0.053	0.088	0.093	0.046	0.018		0.105	0.099	0.057	0.074	0.068	0.073	0.082	0.068	0.074	0.093	0.096	0.063	0.121	0.083	0.082	0.07	0.076	0.142	0.1	0.202	0.119	0.137	0.098	0.18	0.313	0.164
Philosia_muscorum_18384/19-702	0.131	0.1	0.123	0.08	0.084	0.111	0.092	0.102	0.105		0.103	0.081	0.113	0.105	0.132	0.119	0.078	0.106	0.13	0.128	0.106	0.116	0.102	0.126	0.094	0.1	0.128	0.128	0.211	0.141	0.137	0.112	0.14	0.309	0.142
Trichoniscus_pusillus_185A3_consensus/3-675	0.127	0.078	0.094	0.059	0.081	0.097	0.078	0.09	0.099	0.103		0.077	0.064	0.064	0.096	0.087	0.064	0.084	0.07	0.11	0.082	0.101	0.063	0.087	0.064	0.071	0.133	0.106	0.17	0.148	0.11	0.105	0.166	0.323	0.138
Trachelipus_kytherensis_EF027396.1/2-628	0.111	0.069	0.091	0.048	0.072	0.09	0.05	0.062	0.057	0.081	0.077		0.078	0.048	0.077	0.063	0.048	0.077	0.077	0.077	0.056	0.102	0.067	0.082	0.051	0.058	0.13	0.115	0.193	0.124	0.135	0.1	0.163	0.322	0.135
Mongoloniscus_sinensis_MW578682.1/2-612	0.114	0.064	0.074	0.049	0.064	0.054	0.059	0.079	0.074	0.113	0.064	0.078		0.039	0.069	0.079	0.059	0.03	0.05	0.099	0.059	0.094	0.02	0.059	0.06	0.06	0.128	0.128	0.208	0.128	0.108	0.074	0.167	0.335	0.143
Trachelipus_ratzeburgii_MN810595.1/2-658	0.11	0.074	0.057	0.046	0.078	0.08	0.047	0.073	0.068	0.105	0.064	0.048	0.039		0.055	0.05	0.046	0.051	0.051	0.068	0.058	0.111	0.044	0.068	0.048	0.036	0.132	0.123	0.192	0.142	0.119	0.091	0.174	0.324	0.123
Protracheoniscus_politus_MN810670.1/2-658	0.124	0.098	0.077	0.068	0.105	0.108	0.052	0.078	0.073	0.132	0.096	0.077	0.069	0.055		0.068	0.082	0.083	0.088	0.091	0.082	0.145	0.073	0.106	0.09	0.09	0.132	0.142	0.207	0.137	0.128	0.096	0.183	0.319	0.151
Porcellium_conspersum_MN810612.1/2-658	0.11	0.084	0.086	0.068	0.087	0.104	0.07	0.078	0.082	0.119	0.087	0.063	0.079	0.05	0.068		0.078	0.079	0.088	0.05	0.053	0.121	0.063	0.082	0.09	0.078	0.142	0.137	0.197	0.142	0.132	0.105	0.169	0.329	0.132
Trachelipus_nodulosus_MN810586.1/2-658	0.105	0.06	0.072	0.018	0.064	0.071	0.052	0.064	0.068	0.078	0.064	0.048	0.059	0.046	0.082	0.078		0.065	0.069	0.096	0.068	0.097	0.058	0.082	0.018	0.03	0.123	0.11	0.188	0.132	0.105	0.087	0.16	0.324	0.137
Mongoloniscus_vannamei_LC017827.1/3-652	0.097	0.061	0.077	0.056	0.065	0.062	0.071	0.079	0.074	0.106	0.084	0.077	0.03	0.051	0.083	0.079	0.065		0.051	0.097	0.059	0.107	0.039	0.073	0.073	0.067	0.125	0.116	0.219	0.139	0.111	0.097	0.176	0.332	0.148
Mongoloniscus_koreanus_LC017825.1/3-652	0.106	0.085	0.068	0.069	0.088	0.081	0.081	0.102	0.093	0.13	0.07	0.077	0.05	0.051	0.088	0.088	0.069	0.051		0.102	0.078	0.117	0.059	0.088	0.079	0.085	0.144	0.13	0.205	0.153	0.116	0.111	0.181	0.336	0.139
Porcellium_fiumanum_salisburgense_MT521102.1/2-658	0.12	0.093	0.105	0.087	0.11	0.113	0.085	0.096	0.096	0.128	0.11	0.077	0.099	0.068	0.091	0.05	0.096	0.097	0.102		0.072	0.111	0.083	0.087	0.114	0.102	0.151	0.137	0.197	0.151	0.142	0.119	0.169	0.315	0.142
Protracheoniscus_nogaicus_MH400724.1/2-622	0.107	0.058	0.097	0.053	0.072	0.063	0.058	0.068	0.063	0.106	0.082	0.056	0.059	0.058	0.082	0.053	0.068	0.059	0.078	0.072		0.092	0.053	0.048	0.072	0.06	0.15	0.116	0.199	0.135	0.13	0.097	0.155	0.343	0.159
Protracheoniscus_pokarzhevskii_MH400723.1/2-622	0.141	0.077	0.13	0.097	0.082	0.097	0.106	0.116	0.121	0.116	0.101	0.102	0.094	0.111	0.145	0.121	0.097	0.107	0.117	0.111	0.092		0.083	0.092	0.114	0.114	0.155	0.121	0.229	0.155	0.135	0.126	0.155	0.329	0.145
Protracheoniscus_kryszanovskii_MH400727.1/2-622	0.113	0.058	0.083	0.049	0.063	0.053	0.068	0.078	0.083	0.102	0.063	0.067	0.02	0.044	0.073	0.063	0.058	0.039	0.059	0.083	0.053	0.083		0.049	0.06	0.054	0.131	0.121	0.19	0.121	0.092	0.063	0.15	0.34	0.141
Protracheoniscus_major_MH400726.1/2-622	0.122	0.077	0.097	0.077	0.092	0.082	0.087	0.087	0.082	0.126	0.087	0.082	0.059	0.068	0.106	0.082	0.082	0.073	0.088	0.087	0.048	0.092	0.049		0.09	0.084	0.159	0.116	0.194	0.14	0.135	0.101	0.169	0.338	0.15
Trachelipus_aegaeus_EF659958.1/3-520	0.128	0.064	0.082	0.018	0.076	0.07	0.064	0.058	0.07	0.094	0.064	0.051	0.06	0.048	0.09	0.09	0.018	0.073	0.079	0.114	0.072	0.114	0.06	0.09		0.012	0.15	0.132	0.193	0.157	0.12	0.101	0.187	0.349	0.168
Trachelipus_palustris_KF891462.1/1-512	0.129	0.065	0.088	0.029	0.082	0.065	0.071	0.065	0.076	0.1	0.071	0.058	0.06	0.036	0.09	0.078	0.03	0.067	0.085	0.102	0.06	0.114	0.054	0.084	0.012		0.156	0.132	0.186	0.165	0.12	0.107	0.182	0.359	0.162
Hemimysis_margalefi_HE614276.1/2-658	0.167	0.14	0.153	0.119	0.128	0.146	0.146	0.132	0.142	0.128	0.133	0.13	0.128	0.132	0.132	0.142	0.123	0.125	0.144	0.151	0.15	0.155	0.131	0.159	0.15	0.156		0.155	0.23	0.169	0.142	0.146	0.196	0.329	0.155
Asellus_aquaticus_MN810583.1/2-658	0.172	0.102	0.144	0.1	0.114	0.132	0.103	0.105	0.1	0.128	0.106	0.115	0.128	0.123	0.142	0.137	0.11	0.116	0.13	0.137	0.116	0.121	0.121	0.116	0.132	0.132	0.155		0.202	0.123	0.137	0.137	0.174	0.319	0.178
Anuropus_sp._MZ848590.1/2-658	0.241	0.201	0.197	0.183	0.202	0.218	0.203	0.197	0.202	0.211	0.17	0.193	0.208	0.192	0.207	0.197	0.188	0.219	0.205	0.197	0.199	0.229	0.19	0.194	0.193	0.186	0.23	0.202		0.23	0.202	0.192	0.254	0.343	0.221
Microcerberidae_sp._MW911317.1/1-685	0.159	0.132	0.175	0.124	0.133	0.144	0.106	0.124	0.119	0.141	0.148	0.124	0.128	0.142	0.137	0.142	0.132	0.139	0.153	0.151	0.135	0.155	0.121	0.14	0.157	0.165	0.169	0.123	0.23		0.174	0.147	0.172	0.307	0.178
Phreatoicus_orarii_OK072746.1/2-658	0.163	0.112	0.124	0.1	0.11	0.108	0.127	0.123	0.137	0.137	0.11	0.135	0.108	0.119	0.128	0.132	0.105	0.111	0.116	0.142	0.13	0.135	0.092	0.135	0.12	0.12	0.142	0.137	0.202	0.174		0.119	0.174	0.338	0.164
Sphaeroma_serratum_KR424584.1/1-672	0.138	0.106	0.129	0.081	0.094	0.113	0.089	0.099	0.098	0.112	0.105	0.1	0.074	0.091	0.096	0.105	0.087	0.097	0.111	0.119	0.097	0.126	0.063	0.101	0.101	0.107	0.146	0.137	0.192	0.147	0.119		0.179	0.332	0.16
Synidotea_laticauda_KX824113.1/2-686	0.178	0.151	0.189	0.151	0.159	0.153	0.161	0.177	0.18	0.14	0.166	0.163	0.167	0.174	0.183	0.169	0.16	0.176	0.181	0.169	0.155	0.155	0.15	0.169	0.187	0.182	0.196	0.174	0.254	0.172	0.174	0.179		0.327	0.192
Melita_nitida_AY926679.1/6-660	0.336	0.332	0.321	0.315	0.323	0.347	0.309	0.318	0.313	0.309	0.323	0.322	0.335	0.324	0.319	0.329	0.324	0.332	0.336	0.315	0.343	0.329	0.34	0.338	0.349	0.359	0.329	0.319	0.343	0.307	0.338	0.332	0.327		0.3
Gammarus_lacustris_MG310487.1/2-659	0.148	0.163	0.148	0.132	0.151	0.17	0.146	0.155	0.164	0.142	0.138	0.135	0.143	0.123	0.151	0.132	0.137	0.148	0.139	0.142	0.159	0.145	0.141	0.15	0.168	0.162	0.155	0.178	0.221	0.178	0.164	0.16	0.192	0.3	
AVERAGE SEQUENCE DISSIMILARITY (higher = more dissimilar):	0.136	0.096	0.113	0.082	0.102	0.106	0.093	0.099	0.101	0.121	0.103	0.094	0.091	0.088	0.109	0.103	0.088	0.095	0.105	0.115	0.095	0.125	0.087	0.106	0.098	0.098	0.152	0.136	0.209	0.151	0.136	0.119	0.177	0.328	0.158

Figure S6. Pairwise comparison matrix of amino acid sequences for the *CO*1 barcode region of select Peracarida. Values in the matrix are colour-coded based on dissimilarity (dissimilar = red, similar = green). Average sequence dissimilarity (number of amino acid substitutions per site for each pairwise comparison, averaged over multiple comparisons) is listed in the bottom row. Only one *Nagurus cristatus* sequence is included in the matrix, as all three sequences were identical.